



CESAB

CENTRE DE SYNTHÈSE ET D'ANALYSE
SUR LA BIODIVERSITÉ

WOODIV

Origine et congruence des patrons de diversité taxonomique, phylogénétique, fonctionnelle et paléo-écologique : la biodiversité des arbres en Méditerranée européenne

PORTEUR DU PROJET :

A. LERICHE, UMA IMBE, Université Aix-Marseille (FR)

POST-DOCTORANT :

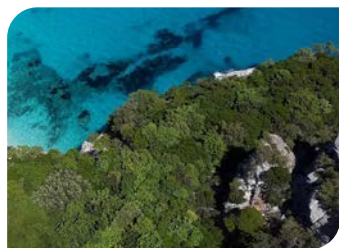
A. DOXA, UMA IMBE, Université Aix-Marseille (FR)

DÉBUT ET FIN DU PROJET :

2016 - 2019

CO-FINANCEMENT :

Otmed



18 PARTICIPANTS :

M. ALBASSATNEH CKEIKH, Université Pierre et Marie Curie (FR) / **C. ALBERT**, IMBE, CNRS (FR) / **J. ARROYO**, University of Seville (ES) / **G. BACCHETTA**, University of Cagliari (IT) / **F. BAGNOLI**, CNR Institute Biosciences Bioresources (IT) / **A. BAUMEL**, IMBE, Université Aix-Marseille (FR) / **V. DEVICTOR**, CNRS Isem (FR) / **P. DIMOPOULOS**, University of Patras (GR) / **M. A. ESCUDERO**, University of Seville (ES) / **B. FADY**, Inrae (FR) / **V. GARAVAGLIA**, FAO (IT) / **J. GUIOT**, CNRS, Cerege (FR) / **F. GUIETER**, IMBE, Université Aix-Marseille (FR) / **A. HAMPE**, Inrae (FR) / **F. MÉDAIL**, IMBE, Université Aix-Marseille (FR) / **A.-C. MONNET**, IMBE, OT-Med (FR) / **T. NIKOLIC**, University of Zagreb (HR) / **G. VENDRAMIN**, CNR Institute Biosciences Bioresources (IT)

La diversité taxonomique est l'indicateur le plus utilisé pour la conservation de la biodiversité alors même que ses composantes génétique et fonctionnelle sont primordiales dans les processus gouvernant son maintien.

Woodiv propose de tester la congruence la diversité taxonomique, phylogénétique, fonctionnelle et paléocéologique des arbres de Méditerranée européenne, et d'identifier les facteurs à l'origine de ces patrons.

Les résultats contribueront à la mise en place de priorités de conservation utilisant les composantes fonctionnelles et évolutives de la biodiversité, encore très peu considérées à cette échelle.

Il est proposé de rassembler les données éco-phylogénétiques et paléocéologiques disponibles pour les arbres indigènes de Méditerranée européenne. Leur analyse spatiale permettra de définir la structuration des patrons des trois composantes de la biodiversité et leur niveau de congruence puis des méta-analyses et modélisations permettront d'identifier les facteurs à l'origine des patrons observés. L'une des forces de ce projet est de ne pas se limiter à des variables explicatives contemporaines, mais d'intégrer des données (i) paléocéologiques dont seront notamment dérivés des proxy de la diversité passée et des impacts anthropiques, ainsi que (ii) phylogéographiques des ligneux disponibles et de phylogénie des communautés. Le consortium du projet est formé d'un réseau de taxonomistes, écologues, évolutionnistes et paléocéologues ainsi que de parties prenantes.

Le Cesab

Programme phare de la FRB, le **Cesab** (Centre de synthèse et d'analyse sur la biodiversité) est une structure de recherche leader en Europe, au rayonnement international, dont l'objectif est de mettre en œuvre des travaux innovants de synthèse et d'analyse des jeux de données déjà existants dans le domaine de la biodiversité.

